



Teorija evolucije 2.

II. GENEALOGIJA GENA

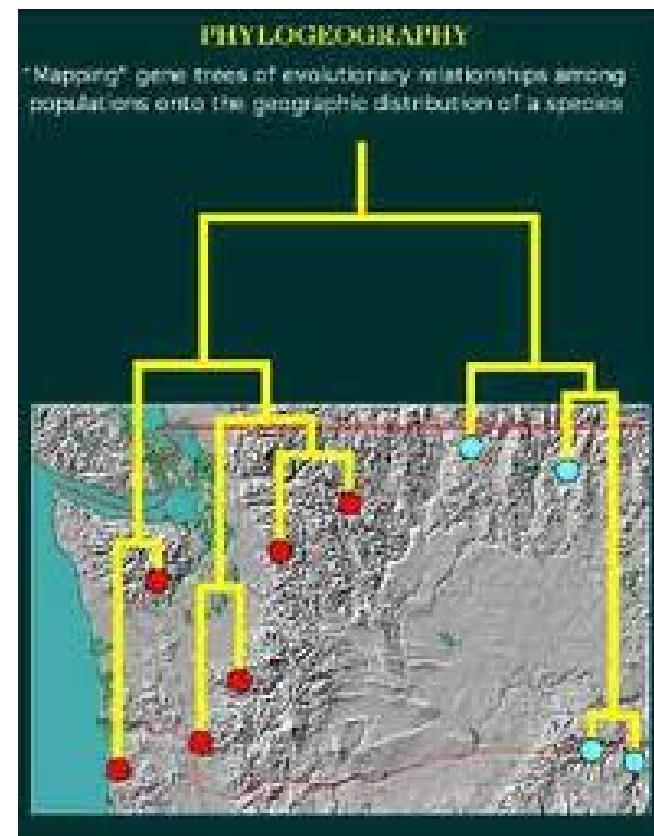
Prof dr Jelka Crnobrnja Isailović

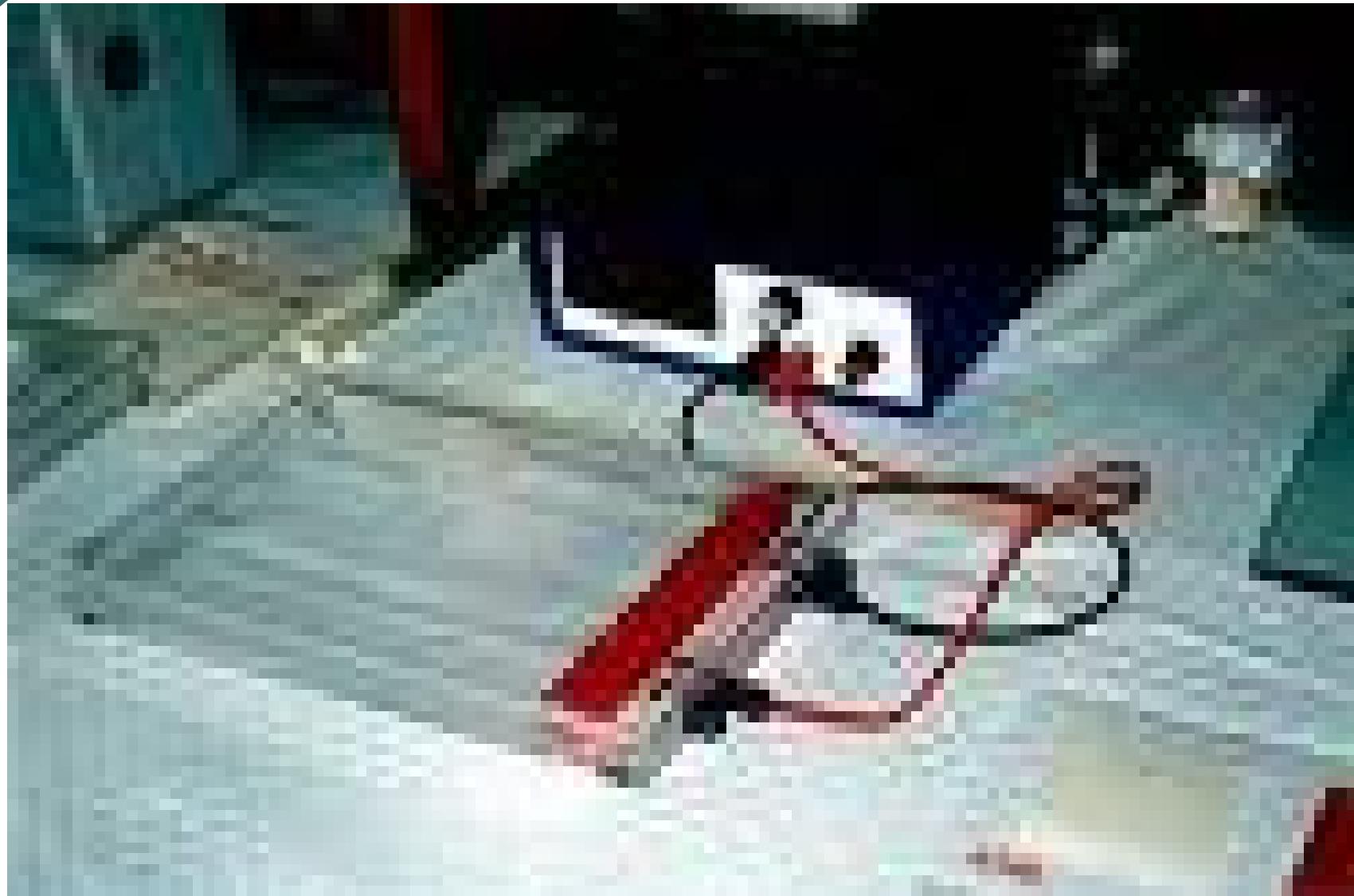


Teorija evolucije 2.

Nastanak i koncept filogeografije

Filogeografija je oblast koja opisuje principe i procese koji objašnjavaju geografsko rasprostranjenje genetičkih linija.

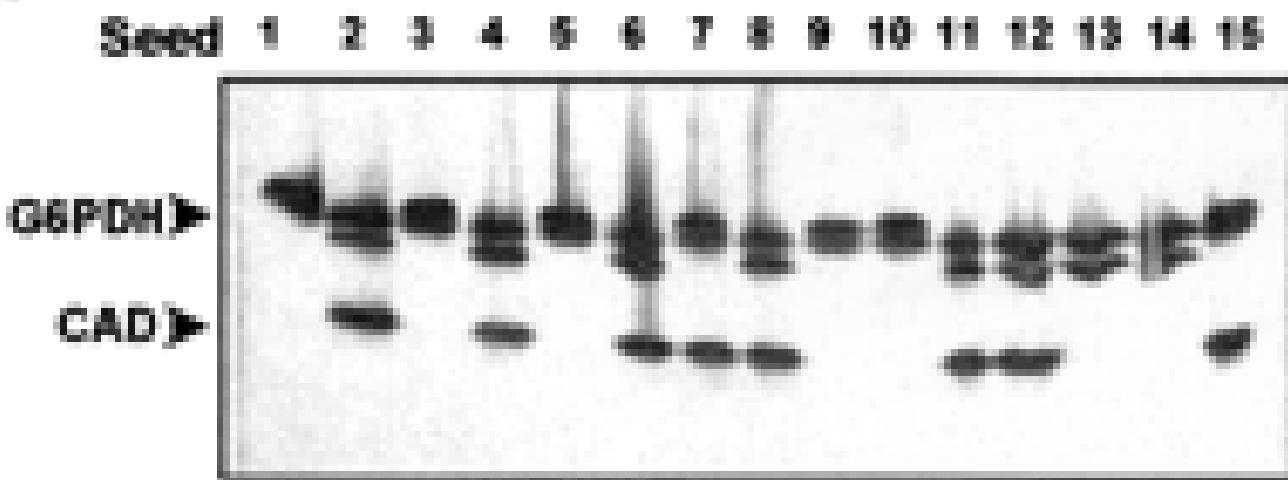




Gel elektroforeza



a

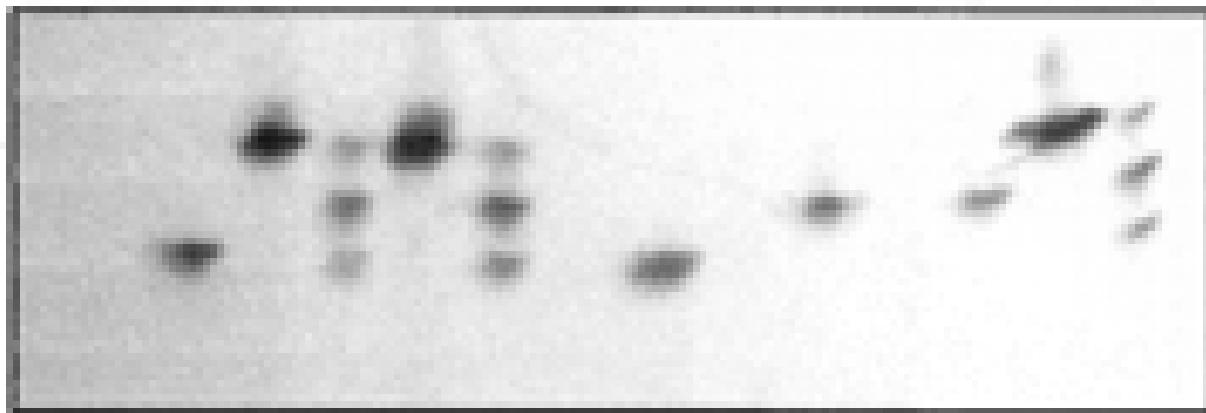


b

Seed	1	2	3	4	5	6	7						
Tissue	M	E	M	E	M	M	E	M	E	M	E	M	E

CAD

S >
I >
F >



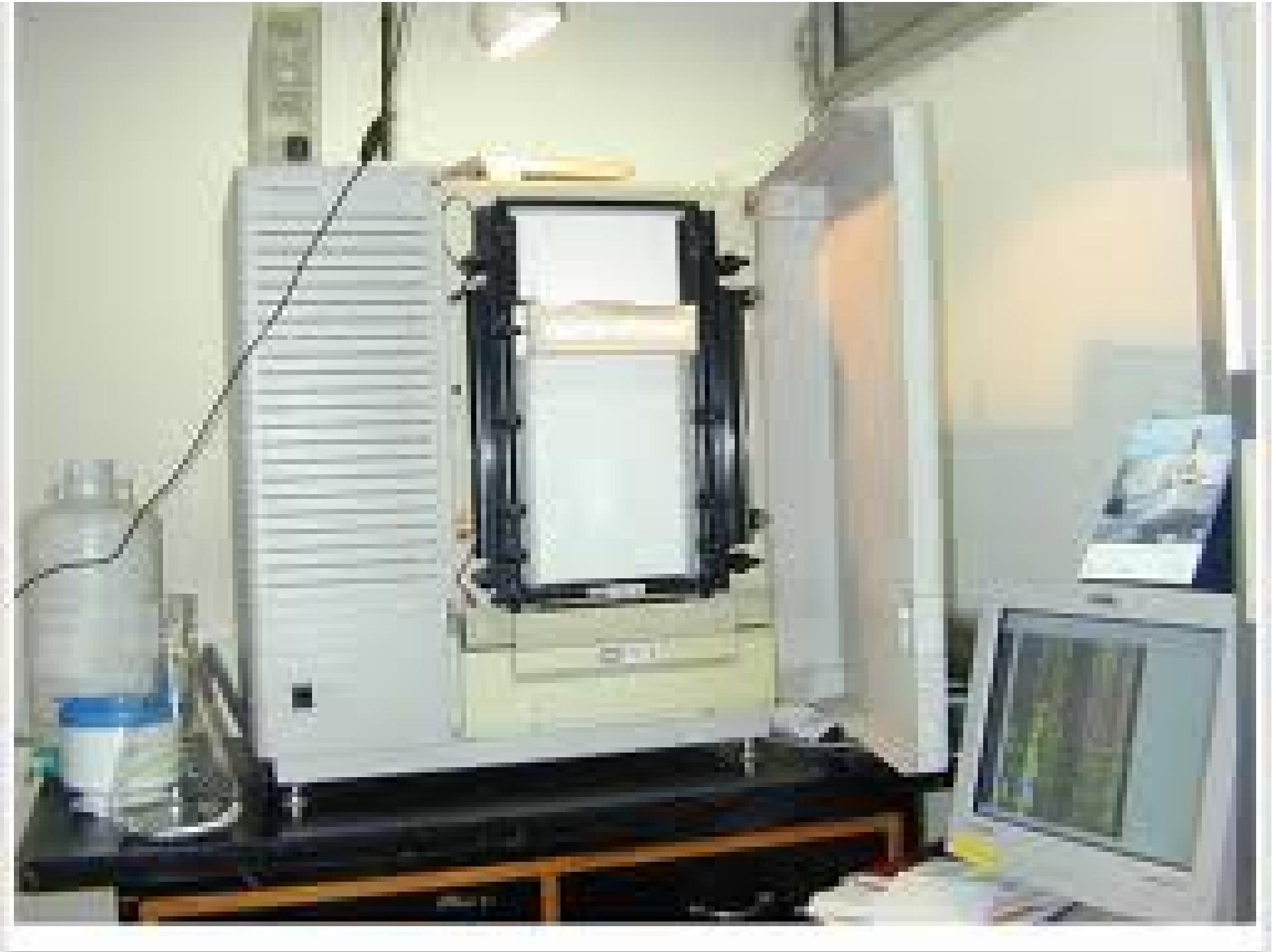


Teorija evolucije 2.

Nastanak i koncept filogeografije

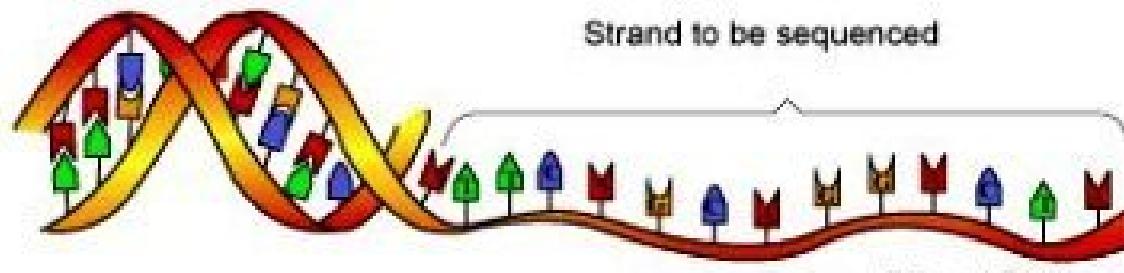


alozimi

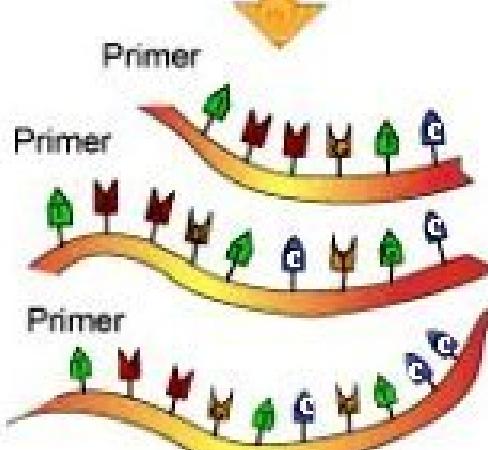




1. Primer for replication

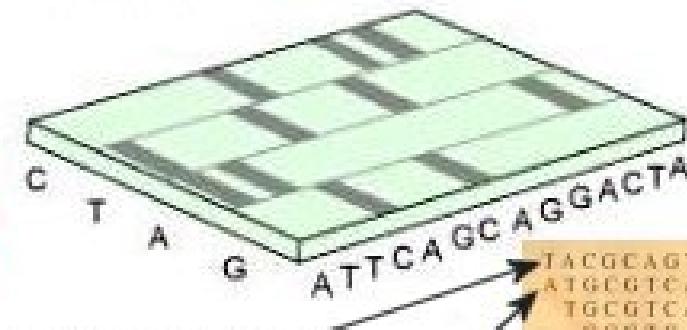


2. Prepare four reaction mixtures; include in each a different replication-stopping nucleotide



3. Replication products of "C" reaction

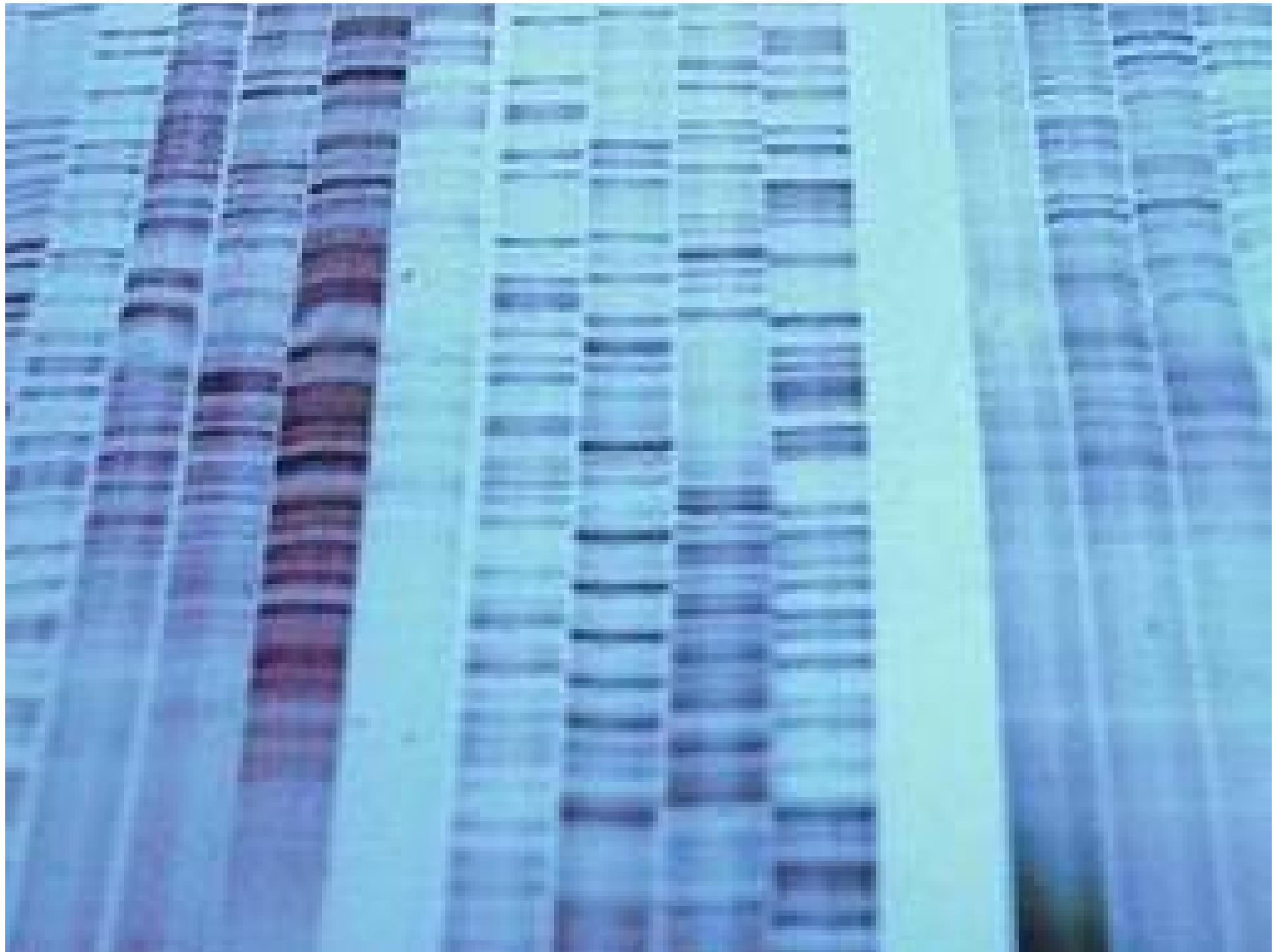
4. Separate products by gel electrophoresis



Sequence of interest

Read sequence as complement of bands containing labeled strands

TACCCAGTAC
ATGGGTCA TG
TGCGTCATG
GGGTCA TG
CGTCATG
GTCA TG
TCATG
CATG
ATG
TG
G



Mikroevolucione oblasti

etologija

demografija

Populaciona genetika

FILOGEOGRAFIJA

Molekularna genetika

Istorijska geografija

Paleontologija

Filogenetika

Makroevolucione oblasti



Teorija evolucije 2.

Nastanak i koncept filogeografije

BIOGEOGRAFIJA

EKOGEOGRAFIJA

FILOGEOGRAFIJA

DISPERZIJA

VIKARIJANTNOST



Teorija evolucije 2.

Nastanak i koncept filogeografije

BIOGEOGRAFIJA

EKOGEOGRAFIJA

Alenovo pravilo

Bergmanovo pravilo

Glogerovo pravilo

Pravilo veličine legla

FILOGEOGRAFIJA

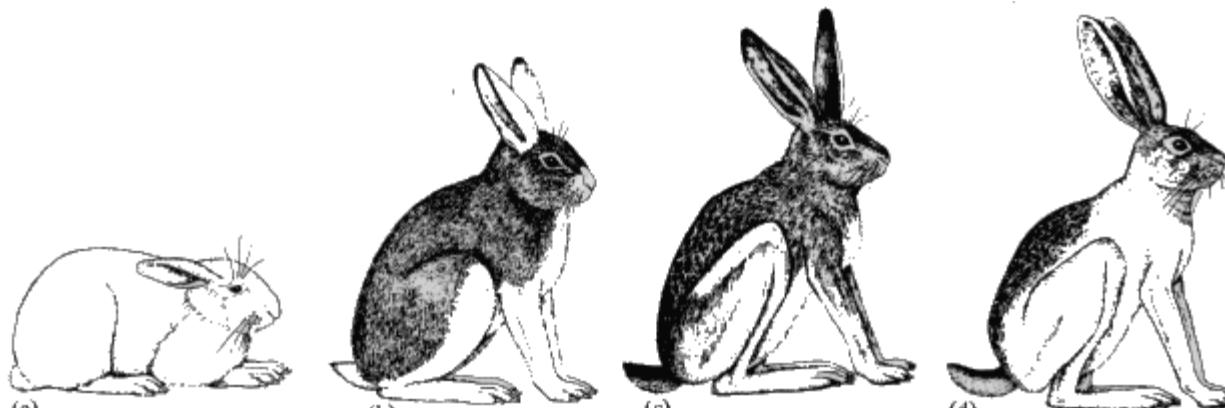
DISPERZIJA

VIKARIJANTNOST



Teorija evolucije 2.

Alenovo pravilo



Lepus arcticus

L. americanus

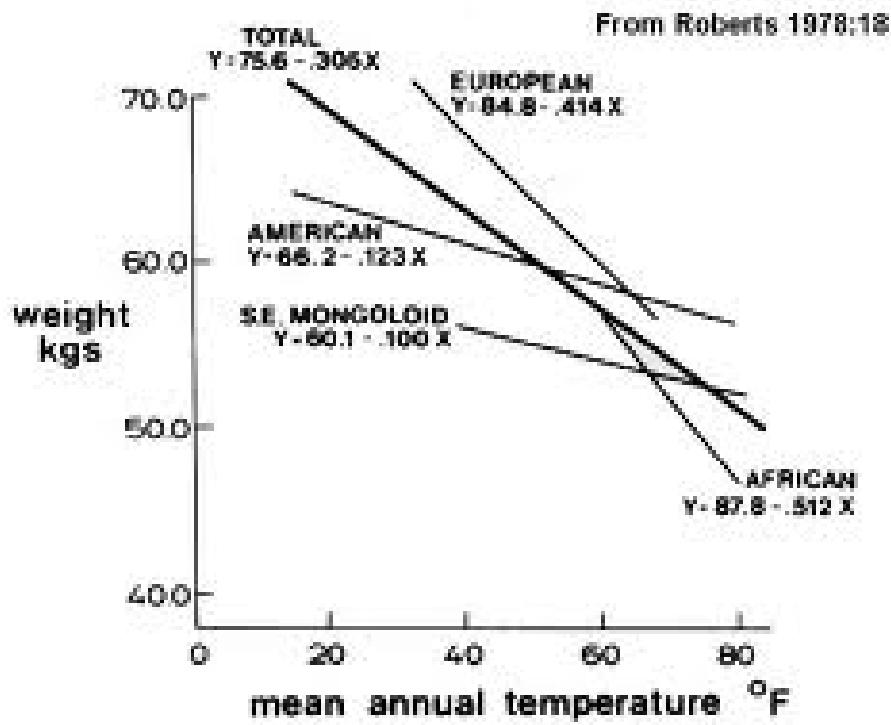
L. californicus

L. alleni



Teorija evolucije 2.

Bergmanovo pravilo





Teorija evolucije 2.

Glogerovo pravilo

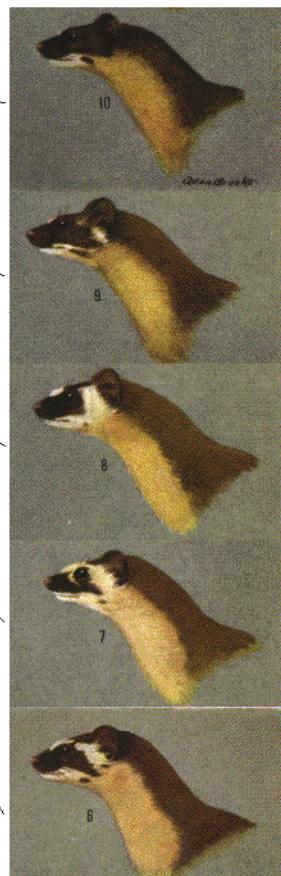
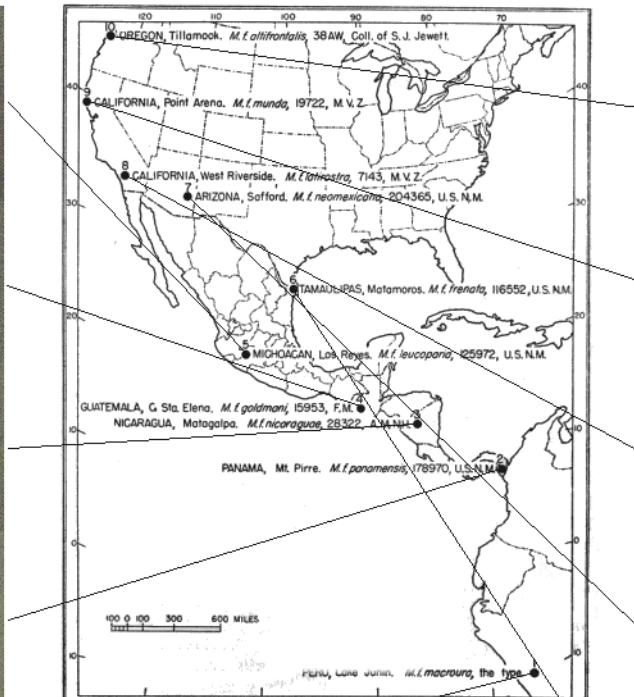


FIG. 1. Map showing localities of capture of specimens depicted in plate I.
PLATE I. Colotation of head and foreparts in ten subspecies of long-tailed weasel, *Mustela frenata*. All figures are of males, approximately $\times \frac{1}{4}$.



Teorija evolucije 2.

Pravilo veličine legla

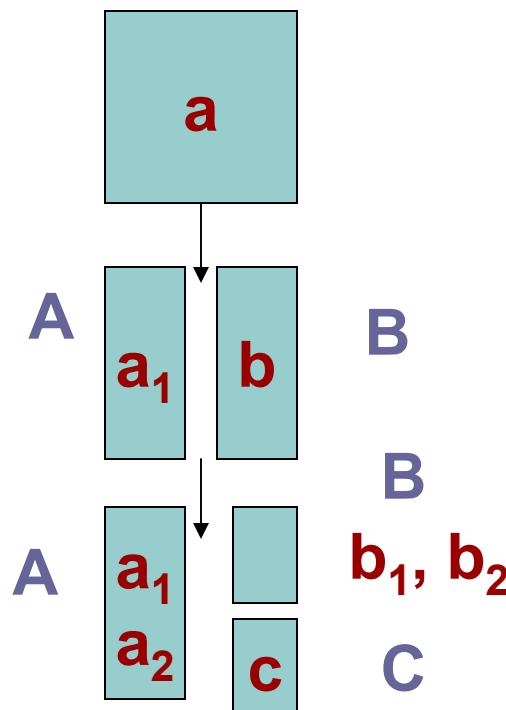




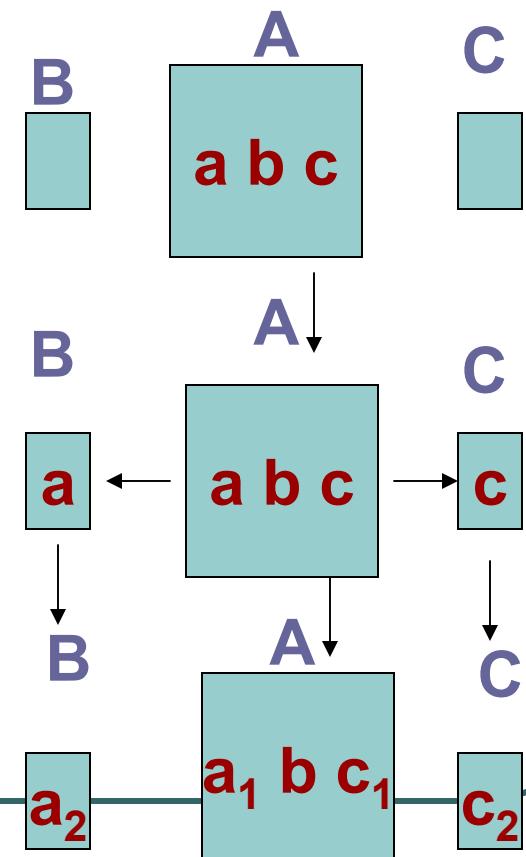
Teorija evolucije 2.

Nastanak i koncept filogeografije

VIKARIJANTNOST



DISPERZIJA

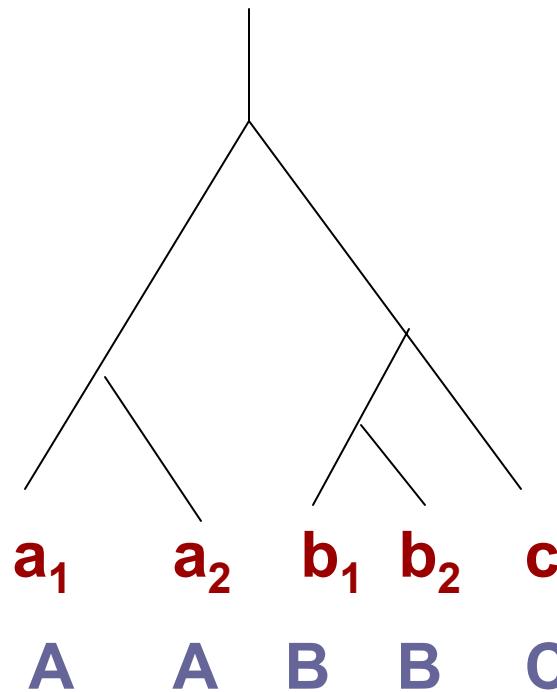




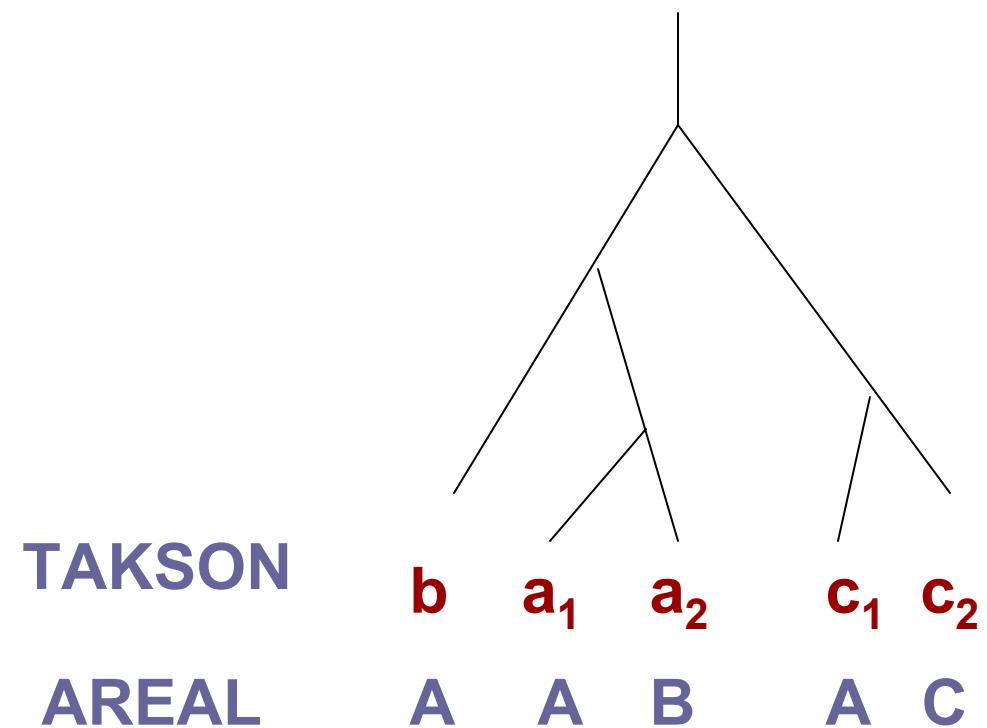
Teorija evolucije 2.

Nastanak i koncept filogeografije

VIKARIJANTNOST



DISPERZIJA



TAKSON
AREAL

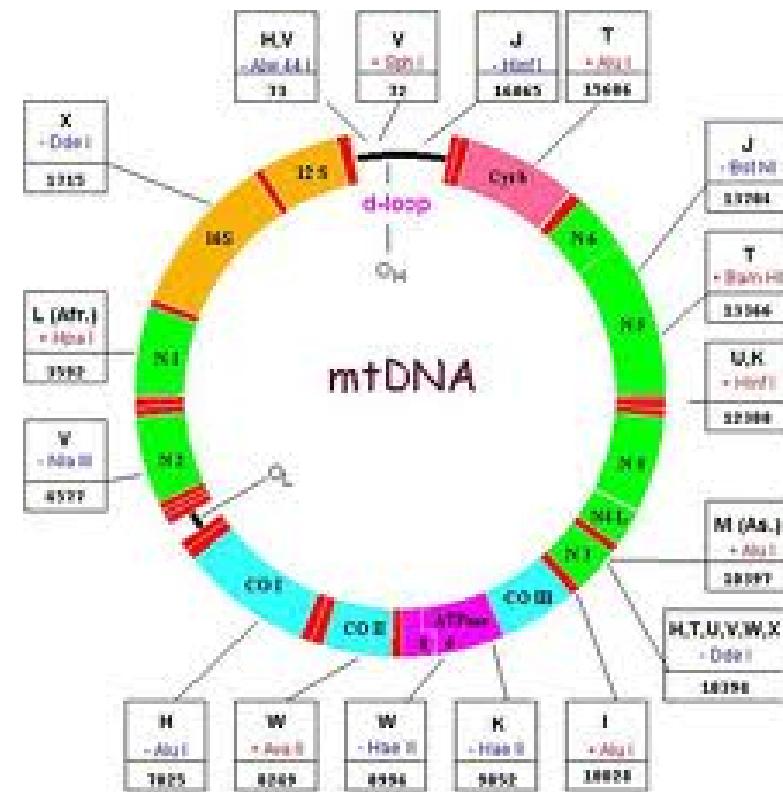


Teorija evolucije 2.

Nastanak i koncept filogeografije

Restrikcione
endonukleaze

RFLP





Teorija evolucije 2.

Nastanak i koncept filogeografije

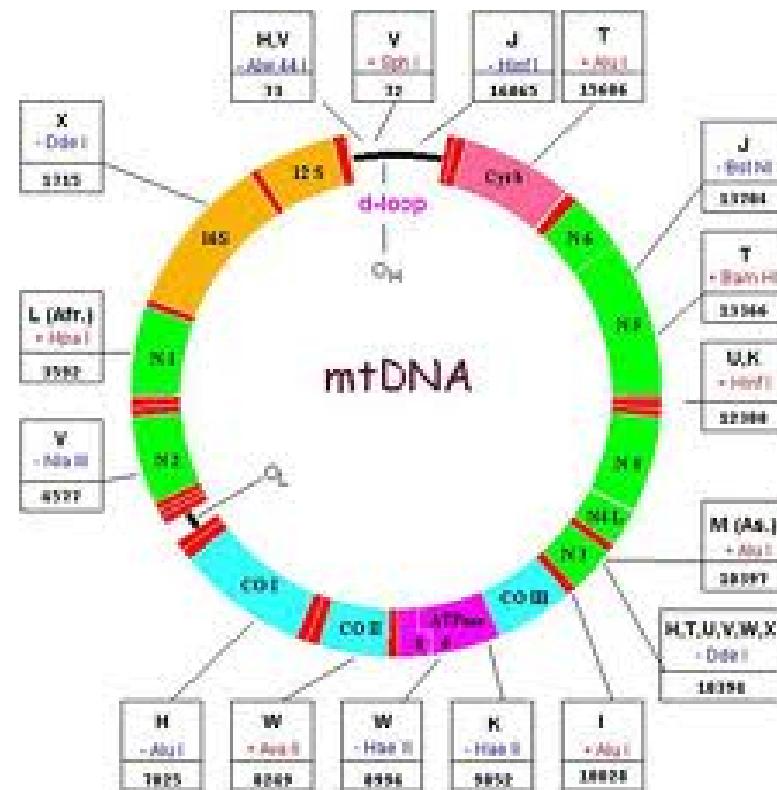
37 funkcionalno prepoznatljivih gena:

22 tRNK,

2 rRNK,

13 iRNK

- transport elektrona
- oksidativna fosforilacija





Teorija evolucije 2.

Nastanak i koncept filogeografije



Molekularni sat

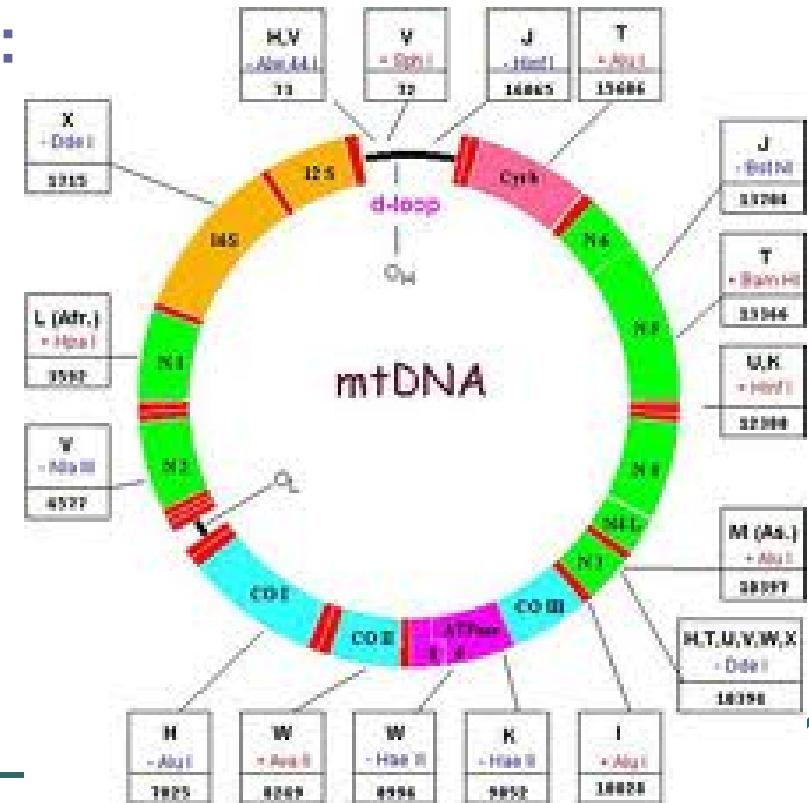


Teorija evolucije 2.

Nastanak i koncept filogeografije

Brza evolucija animalne mt DNK:

- a) slabljenje funkcionalnih ograničenja;
- a) visoka stopa mutacije;
- c) mt DNA je ogoljena





Teorija evolucije 2.

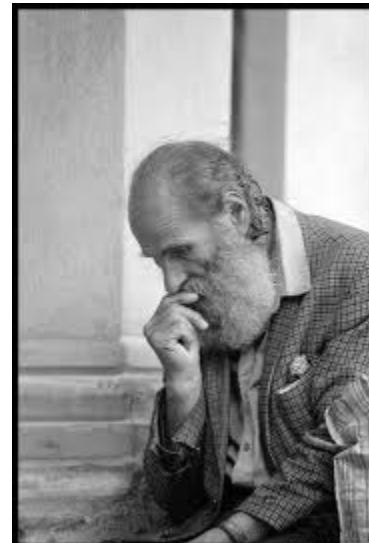
Nastanak i koncept filogeografije





Teorija evolucije 2.

Nastanak i koncept filogeografije





Teorija evolucije 2.

Nastanak i koncept filogeografije

Jedinke - Operacione Taksonomske Jedinice
(eng. „Operational Taxonomic Units” – OTU)
u populaciono genetičkoj analizi.







Teorija evolucije 2.

Teorija slivanja (eng. “coalescent theory”)

Pod teorijom slivanja (eng. „**coalescent theory**“) podrazumevamo formalne matematičke i statističke analize genealogija gena unutar i između srodnih vrsta koje povezuju populacionu demografiju i filogeografske obrasce

unutar populacija,

između populacija unutar iste vrste i

između populacija koje pripadaju srodnim vrstama.

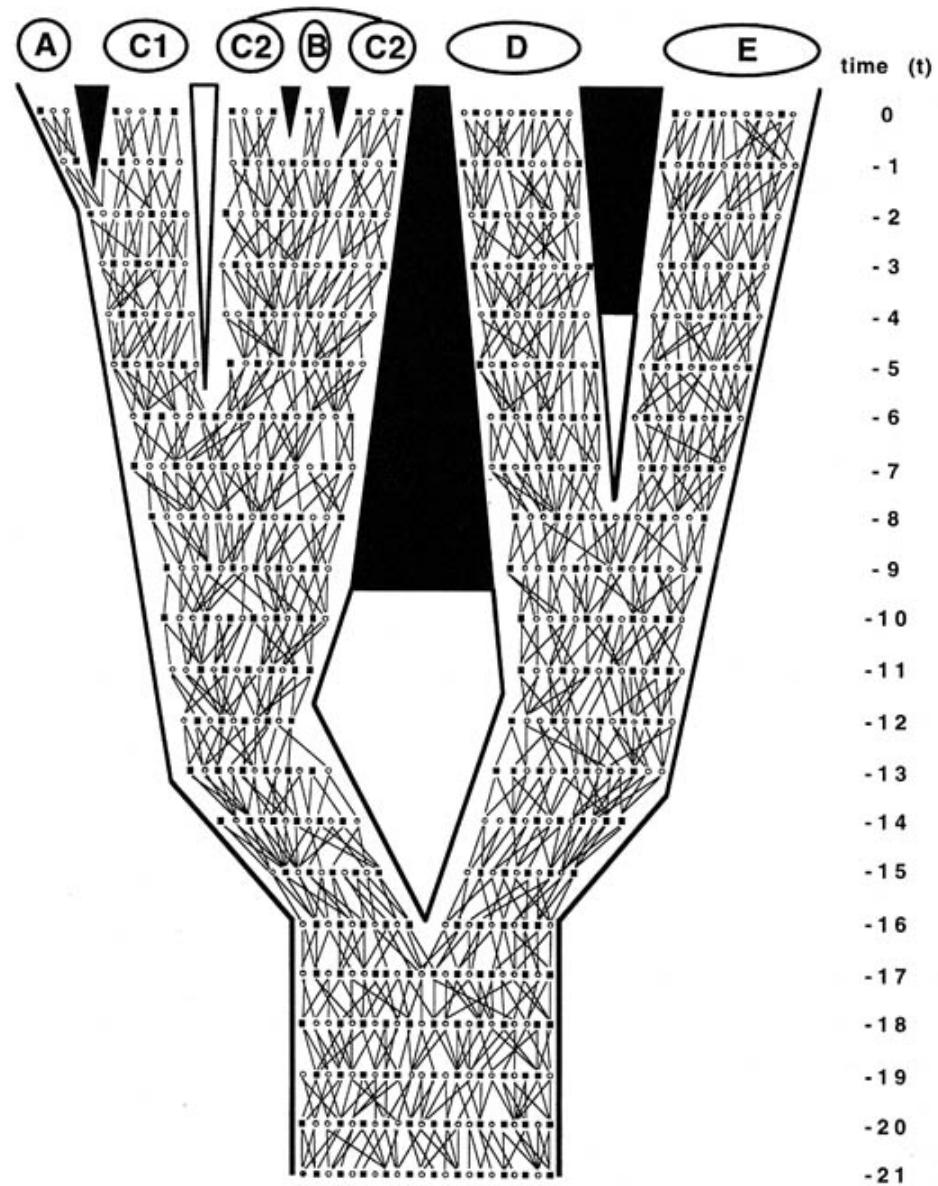


FIGURE 6.6 Same phylogeny as in Fig. 6.3 but here depicting the complete organismal pedigree through 21 discrete generations leading to the present (after Avise and Wollenberg, 1997). The two lines tracing from each male (filled square) or female (open circle) in any generation identify parents of that individual. They also describe the geographic dispersal of offspring (assumed to be limited by distance) and the mating events.



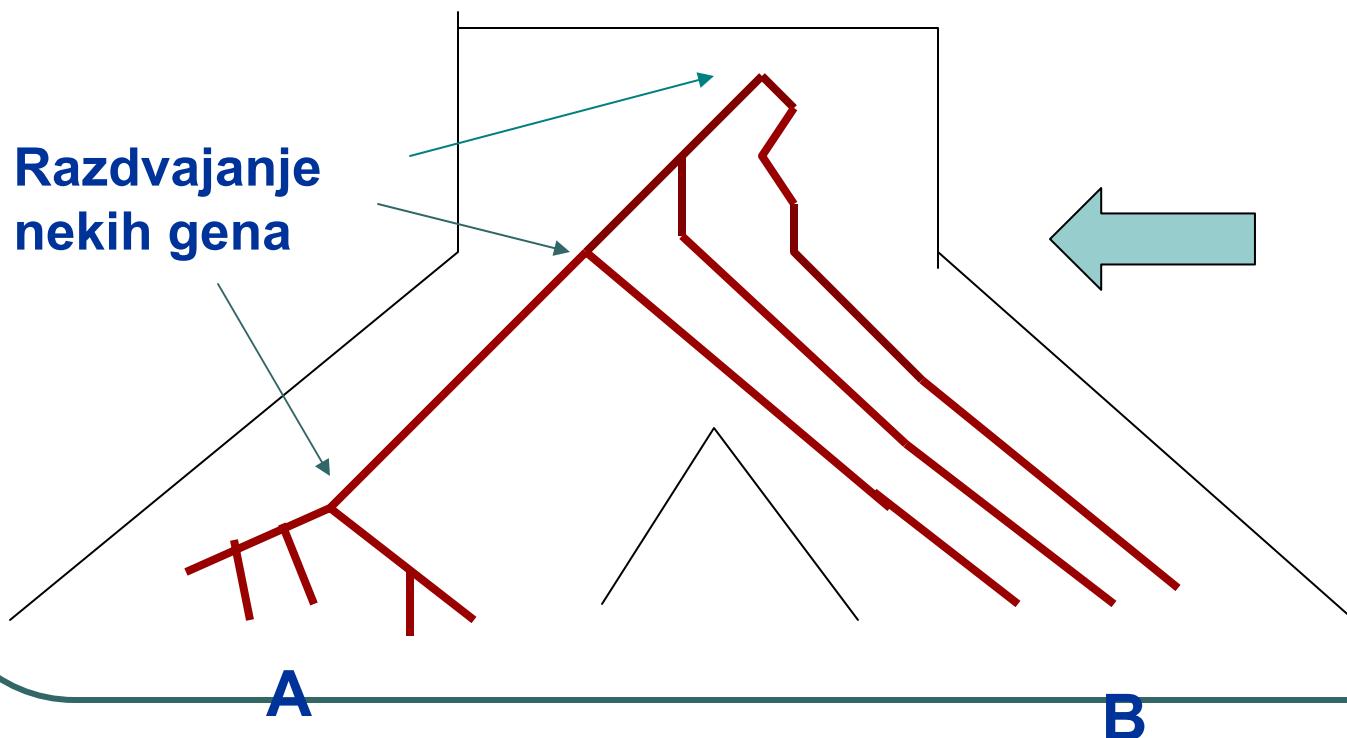
Teorija evolucije 2.

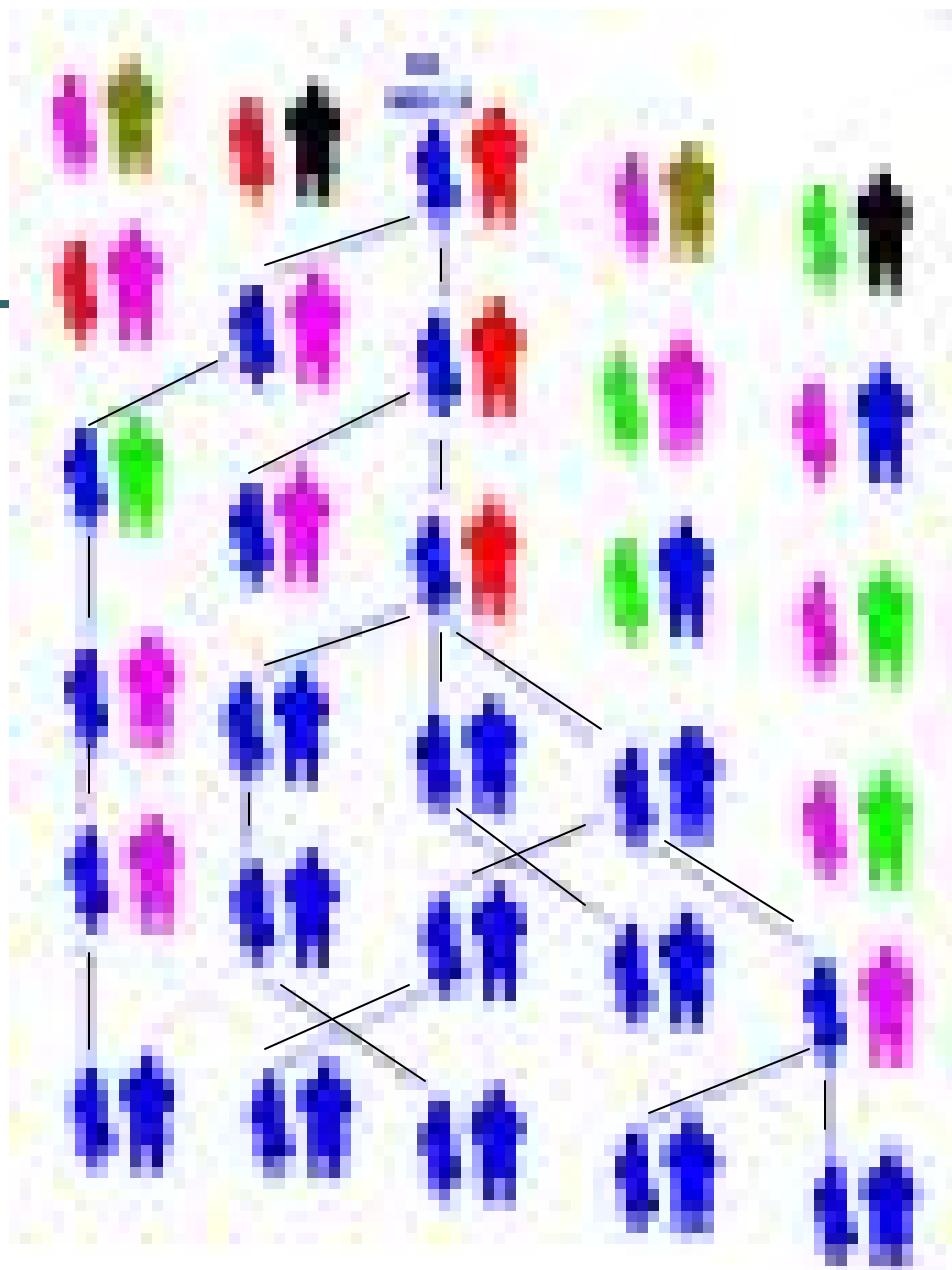
Teorija slivanja (eng. “coalescent theory”)

Predačka populacija

Razdvajanje
nekih gena

Razdvajanje
populacije

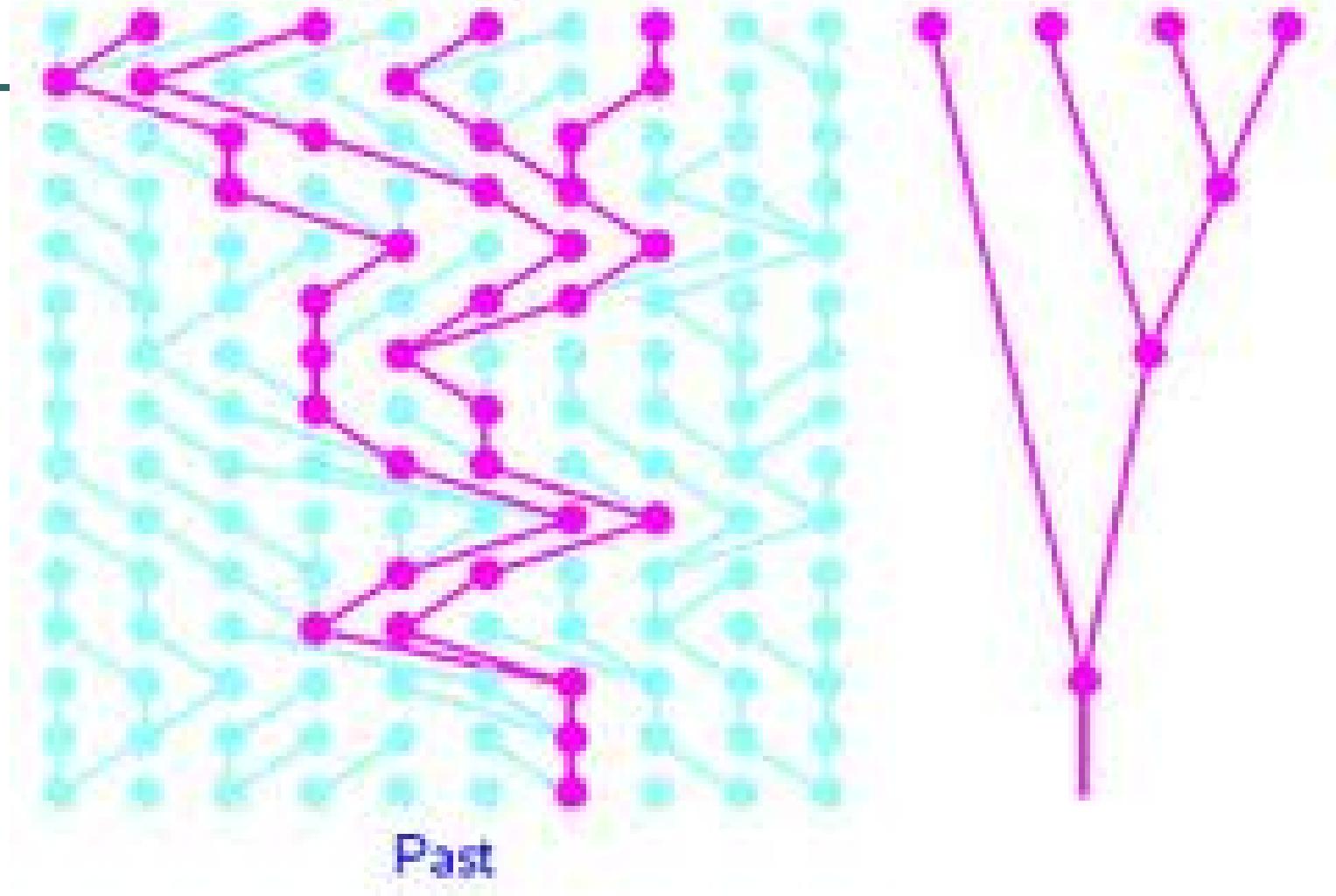


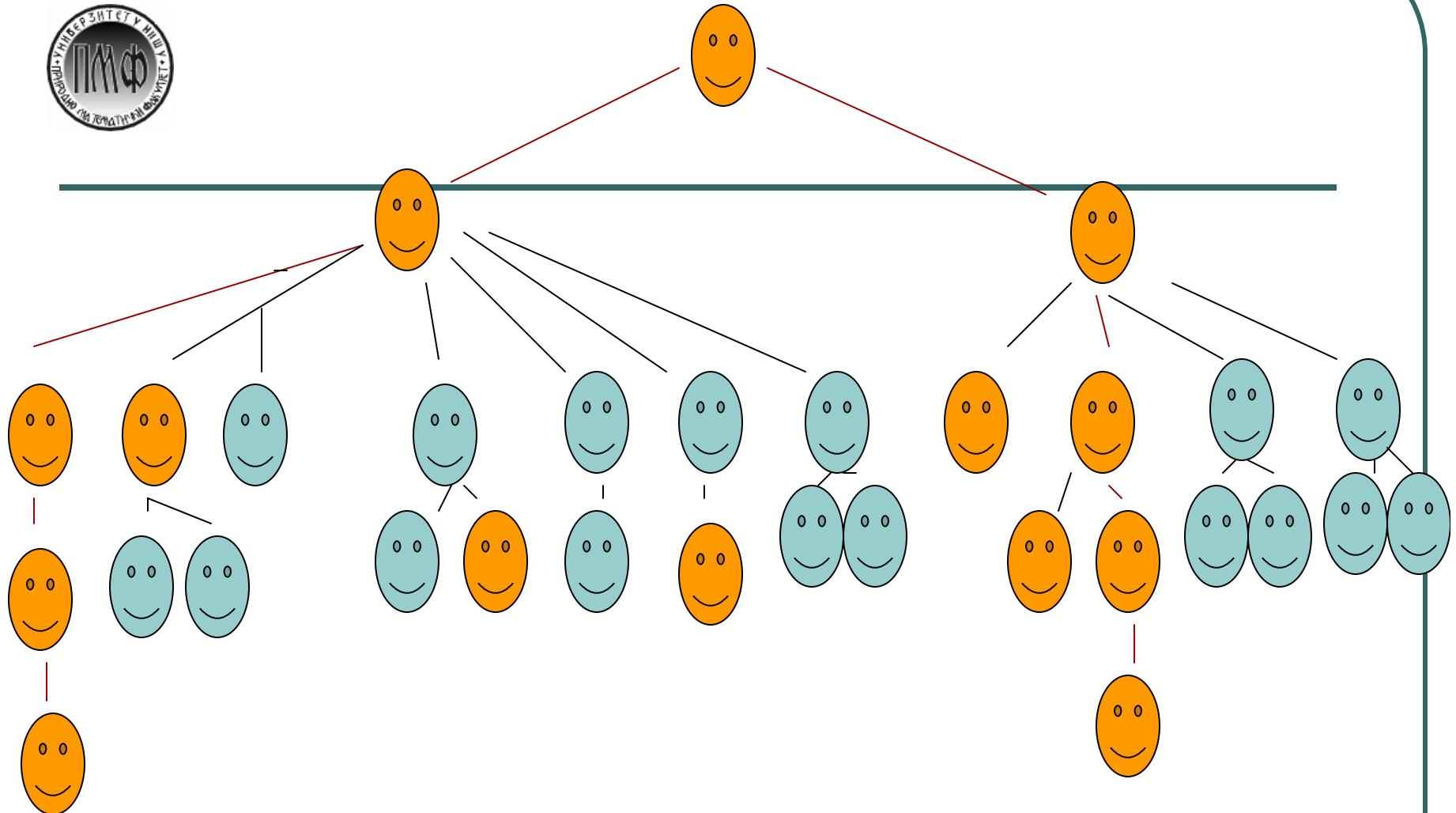




Present

Past





?!
?



Teorija evolucije 2.

Teorija slivanja (eng. “coalescent theory”)

Opstanak i izumiranje različitih matrilinearnih linija
- nezavisni događaji -

Sredinski faktori simultano intenziviraju grananje matrilinearnih linija usporavaju

Faktori zavisni od gustine populacije menjaju veličine porodica

dinamika procesa grananja i slivanja genskih linija.





Teorija evolucije 2.

Teorija slivanja (eng. “coalescent theory”)

Jedan od načina sagledavanja opšte demografske istorije populacije na osnovu podataka o genskom stablu su

dve različite mere variranja haplotipa:

Diverzitet haplotipova $h = 1 - \sum f_i^2$,

f_i - učestalost i-tog haplotipa - informacija o broju i učestalostima različitih alela jednog lokusa, bez obzira na odnose njihovih sekvenci.

Diverzitet nukleotida ($p = \sum f_i f_j p_{ij}$)

p_{ij} - divergencija sekvene između i-tog i j-tog haplotipa - divergencija sekvene između jedinki u populaciji, ponderisana u odnosu na veličinu populacije, bez obzira na broj haplotipova



Teorija evolucije 2.

Teorija slivanja (eng. “coalescent theory”)



h



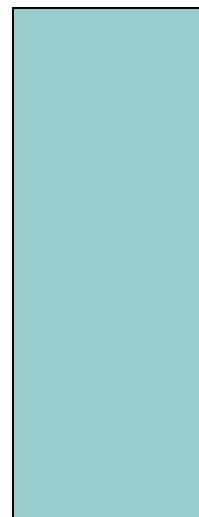
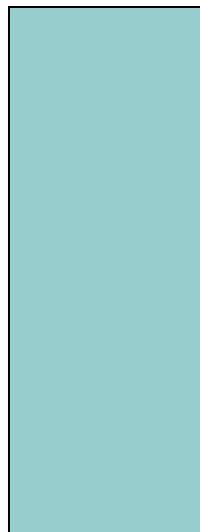
p

odraz skorašnjeg
produženog ili snažnog
demografskog uskog grla



Teorija evolucije 2.

Teorija slivanja (eng. “coalescent theory”)

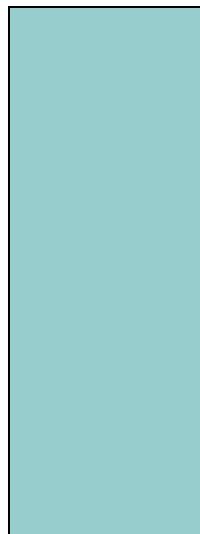


stabilna populacija sa
velikom efektivnom
veličinom populacije duži
niz generacija,
ili
populacija restaurirana
sekundarnim kontaktom



Teorija evolucije 2.

Teorija slivanja (eng. “coalescent theory”)



h



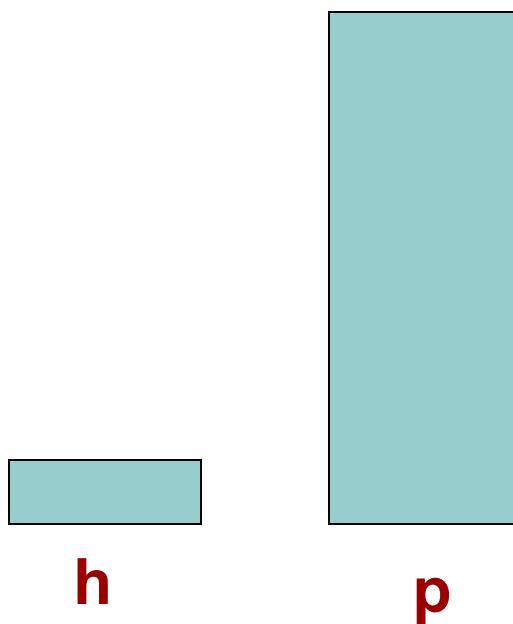
p

brz rast populacije i
predačka populacija
male efektivne veličine,
gde je proteklo dovoljno
vremena da h poraste,
ali ne dovoljno i
za obnavljanje p .



Teorija evolucije 2.

Teorija slivanja (eng. “coalescent theory”)



Velika predačka populacija
koja je pretrpela kratak efekat
uskog grla,
gde su mnogi haplotipovi
izumrli
ali
diverzitet
nukleotidnih sekvenci
nije značajnije narušen.



Teorija evolucije 2.

Filogenetske kategorije odnosa

Genealogija majčinskih linija

monofilija

parafilija

polifilija



Teorija evolucije 2.

monofilija

**sve preživele majčinske linije
unutar svake populacije kćerki
genealoški su srodnije
jedna drugoj
nego bilo kojoj drugoj
majčinskoj liniji u drugoj populaciji**



Teorija evolucije 2.

parafilia

**sve majčinske linije jedne populacije
formiraju monofiletsku grupu
ugnježđenu unutar majčinskih linija
u drugoj potomačkoj populaciji**



Teorija evolucije 2.

polifilia

**neke, ali ne sve, majčinske linije jedne
grupe
ugnježđuju se sa nekim, ali ne svim,
majčinskim linijama druge grupe,
i formiraju jednu kladu**



Teorija evolucije 2.

Filogenetski status kćerki populacija predstavlja funkciju

načina njihovog nastajanja,

vremena proteklog od razdvajanja

i

veličine populacije.



Teorija evolucije 2.

Pod prepostavkom da su geni selektivno neutralni, vreme provedeno nakon događaja razdvajanja u ovim tranzitnim stanjima jeste funkcija prevashodno efektivne veličine populacije kćerki populacija.



Teorija evolucije 2.

Verovatnoća genealoške polifilije je velika kada je

$$G < N F(e) ,$$

odnosno kada je broj generacija nakon događaja razdvajanja manji od efektivne veličine populacije kćerki.



Teorija evolucije 2.

Recipročna monofilija kćerki populacija

je izvesna kada je

$$G > 4N F(e) .$$



Teorija evolucije 2.

Nejgelov pristup

**Nejgelov pristup razmatra
neravnotežan raspored
genskih liinija u okviru scenarija
„izolacija putem distance”.**

**Po ovome, stare genske linije
trebalo bi da budu
rasprostranjene od mladih
ako je disperzija ograničena.**



Teorija evolucije 2.

Nejgelov pristup



Peromyscus maniculatus

Procenjena standardna disperzivna udelenost od 200 m po generaciji za linije svih starosti.

Primena metode CMR pokazala je da se jedinke uobičajeno pomeraju oko 250 m između mesta rođenja i reproduktivnih centara



Teorija evolucije 2.

Templetonov pristup

Dva tipa distanci:

- 1) distanca između klada – D_c – srednja prostorna udaljenost članova klade od geografskog centra te klade;**

- 2) ugnježđena distanca između klada – D_n – srednja prostorna udaljenost članova ugnježđene klade od geografskog centra te klade.**



Teorija evolucije 2.

Templetonov pristup

Jedna od prednosti statističkog dizajna ovog pristupa je što polazi od nulte hipoteze nepostojanja asocijacije između geografije i prepostavljene strukture genskog stabla.

Ako je u konkretnom slučaju nulta hipoteza oborenja, analiziraju se potencijalni biološki uzroci postojanja asocijacija između geografije i filogenije.



Teorija evolucije 2.

Kategorije filogeografskih hipoteza

Krajem osamdesetih godina XX veka, dostupni molekularni filogeografski obrasci ukazivali su da su i **istorijsko-biogeografski faktori** i **savremene ekološke i karakteristike ponašanja organizama** imale važne uloge u oblikovanju **genetičkih arhitektura savremenih vrsta.**



Teorija evolucije 2.

Filogeografske kategorije

1) Razgranato gensko stablo, glavne linije alopatrične

Prostorno ograničene haplogrupe razdvojene relativno velikim mutacionim distancama.
Moguća je i prostorna substrukturiranost među blisko srodnim genskim linijama unutar regiona





Teorija evolucije 2.

Filogeografske kategorije

2) Razgranato gensko stablo, glavne linije simpatične

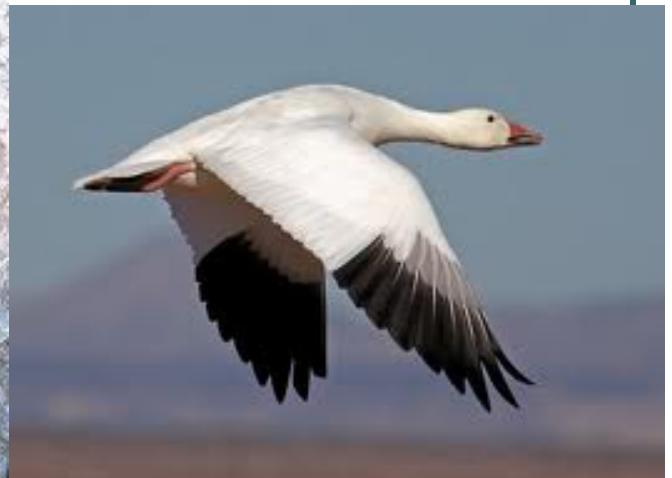
Izraženi su filogenetski rascepi između određenih grana u genskom stablu, ali su glavne genske linije rasprostranjene na širem prostoru. Teoretski, ovaj obrazac se može pojaviti kod vrste sa **velikom evolucionom efektivnom veličinom populacije i visokom stopom protoka gena**.



Teorija evolucije 2.

Filogeografske kategorije

2) Razgranato gensko stablo, glavne linije simpatične





Teorija evolucije 2.

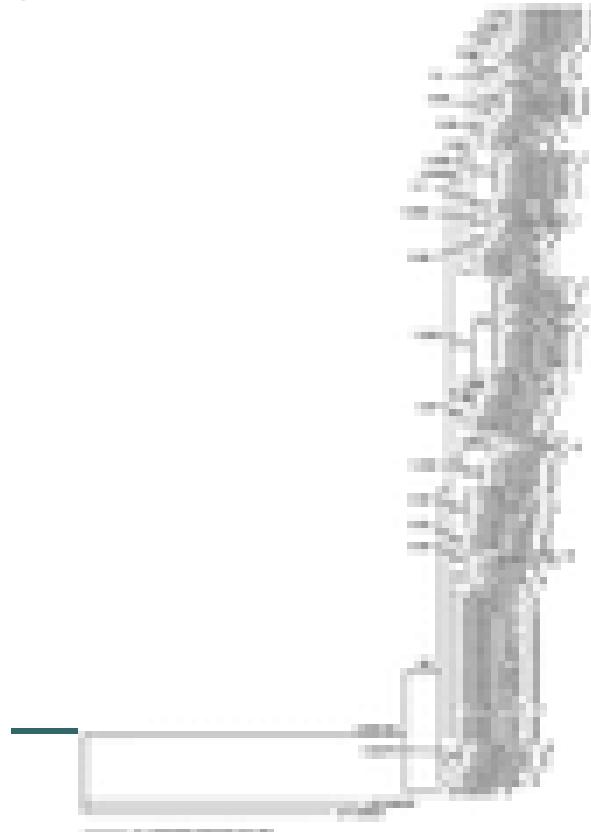
Filogeografske kategorije

3) Nerazgranato gensko stablo, linije alopatrične

Skoro svi ili svi **haplotipovi su blisko srodni**, ali su geografski razdvojeni.

Prepostavlja se da je **savremeni protok gena niskog intenziteta u odnosu na veličinu populacije**,

pa se nije desilo sortiranje linija niti je genetički drift ili diverzifikujuća selekcija mogao da proizvede genetičku diferencijaciju između populacija.





Teorija evolucije 2.

Filogeografske kategorije

3) Nerazgranato gensko stablo, linije alopatrične





Teorija evolucije 2.

Filogeografske kategorije

4) Nerazgranato gensko stablo, linije simpatične

Obrazac karakterističan za vrste sa
snažnim protokom gena
i populacijama male efektivne veličine
koje nisu bile razdvojene
snažnim biogeografskim barijerama.



Teorija evolucije 2.

Filogeografske kategorije

4) Nerazgranato gensko stablo, linije simpatične





Teorija evolucije 2.

Filogeografske kategorije

5) Nerazgranato gensko stablo, distribucije linija raznovrsne

Zajedničke linije su široko rasprostranjene,
a postoje i blisko srodne linije koje su „unikatne” .

Nizak ili umeren nivo savremenog protoka gena
između populacija koje su bile čvrsto povezane u prošlosti.
Zajednički haplotipovi često su i pleziomorfni (predački)
unutar vrste,
dok su retki haplotipovi izvedeni (apomorfni)
i predstavljaju markere za savremene klade.



Teorija evolucije 2.

Filogeografske kategorije

5) Nerazgranato gensko stablo, distribucije linija raznovrsne

